

2019 BIOKI 1.PARTZIAL

1. Dihidroxizetonaren egitura(k)

- a) Ez du C asimetrikorik (ondo)
- b) D Isomeria motatakoa da (gaizki)
- c) Monosakarido baten eratorria da (gaizki)
- d) Zetosa bat da (ondo)

2. Alfa aa

- a) Ez du C asimetrikorik (Bai)
- b) Bi amida lotura eratu ditzake (Bai)**
- c) Amida intramolekularra sor ditzake (Bai)**
- d) Proteinak eratzen dituzten osagaietako bat da

3. Nukleotidoen egitura

- a) Nitrogenodun basea pentosaren karbono anomerikoan
- b) 3 azido fosforioko beti
- c) Azukrea mutur ez erreduzitailea
- d) 4 N dute beti basean, (Holako zerbait zan)

4. DNA genomikoaren erreplikazioa

- a) helikasa konplexua luzapenean soilik parte hartu (txarto)
- b) fen endonukleasa primerraren kenketan parte hartu
- c) primasak harizpi gidariaren eta atzerakoaren sorreran beharrezkoa
- d) Burbuila bakoitzean dauden bi urkilak simetrikoak dira
- e)

5. Eukariotoen Sigma DNA polimerasari dogokionez

- a) Eukariotoen bikoizketaren hasieran lehenengo lotzen den DNA polimerasa da
- b) 3'-5' DNA polimerasa da eta 3'-5' eta 5'-3' exonukleasa jarduera du
- c) 5'-3' exonukleasa jarduera polimerizazioaren akatsak zuzentzen ditu ONDO
- d) Okazaki zatien primerrak ordezkatzeko ditu ONDO

6. Eukariotoen genomaren promotoreei dagokienez

- a) Batzuen sekuentziak transkribatu daitezke
- b) Transkribatu nahi den zatiarekin hasiera eta amaiera zehazten dute
- c) Proteinak kodetzen dituzten geneetan soilik agertzen dira
- d) Hasiera kodoia kokatu behar den gunea zehazten dute (Bai)

7. Trankripzioa

- a) Kromosoma baten gene guztiak DNA harizpi bera kodeatzen dute. (txarto)
- b) Trankripzio urkila Gero eta luzeagoa da (txarto)
- c) Ur behera zein Ur hora guerra daitezke (txarto)
- d) Dna harizpi kodeatzailea eta sortu Berri den RNA zenbait nukleotido parekatuta ditu. (txarto)

8. Transkribatu sorberiei buruz:

- a) RNA II polimerasak sintetizatutakoei bakarrik gehitzen zaio poliA isatsa X
- b) Guztiak zenbait eraldaketa jasotzen dituzte X
- c) Guztiak mozketaren bat jasotzen dute X
- d) 5' muturrean transkripzioaren amaiera sekuentzia dago.

9. Kode genetikoari buruz:

- a) aminoácido bat kodon batek baino gehiagok kodetu dezakete. X
- b) mRNA osatzen duen base batek ezin du hiru hirukote desberdinetan parte hartu. X
- c)
- d) tRNAk kode genetikoaren erretikulu endoplasmatikora garraiatzen du.

10. TRNari buruz

- a) Zerbait base eraldatu dituzte (se refiere a la inosina) X
- b) 64 aldaera ditu
- c) aminoazidoak CAA duen besoari loten zaizkio
- d) mRNArekin elkarekintzan parte hartzen du

11. Proteinen sintesiaren hasierako faseari buruz

- a) Erribosomaren azpiunitateak elkartzen dira (ondo)
- b) IF-3k GTP bat lotuta darama (gaizki)

- c) Aminoazidoa TRNAREN CAA muturrean lotzen da (gaizki)
- d) aminoazidoa eta Traren ARTEKO loturan GTP hifrolitzen da (ondo)

12. DNAREN eskuragarritasunari buruz:

- a) Histonen azetilazioaren bidez karga negatiboa jaisten da eta haien arteko elkarrekintza ahulagoa da.
- b) DNAREN kondentsazio-maila aldatzeko transkripzio-faktoreak beharrezkoak dira
- c) Azetilazioaren bidez kromatinaren kondentsazio-gradua jaisten da. (ondo)
- d)

13. Transkripzioari buruz:

- a) Gene konstitutiboen transkripzioan sekuentzia basala derrigorrezkoa da.
- b) Gene guztietan transkripzio-faktore orokorrak beharrezkoak dira.
- c) Sustatzaile distala ur-goran eta ur-beheran egon daiteke.
- d) Transkripzioa hasteko transkripzio-faktore orokorrak sustatzaile basalean lotzen dira.

14. Transkripzio ondoko aldaketei buruz

- a) Batzuetan RNAREN heltze prozesuan eman daitezke. (Ondo)
- b) DNAREN metilazio maila aldatzen da (gaizki)
- c) Hasierako konplexua desegin daiteke (gaizki)
- d) Moztitxasketa alternatiboa derrigorrezko prozesua da (gaizki)

15. Epigenetikari dagokionez

- a) mekanismo bat da non gene guztien transkripzioa areagotzen duen (gaizki)
- b) HAT eta SIRT entzimen bidez kromatinen azetilazioa igotzen da (gaizki)
- c) HDAC inibitzaileak kromatinaren azetilazioa areagotzen du (**ondo**)
- d) metilo taldearen emailea den S-adeniometionina DNMTAREN produktua da. (gaizki)